

Anotačný záznam

a/ MVDr Jozef Harvan

b/ Epizootologická analýza výskytu scrapie oviec v PD Turiec Dubové

c/ Žilina, Regionálna veterinárna a potravinová správa, 2004, strán 47, tabuliek 17, literárnych citácií 59, obrázkov 10

d/ Výskyt scrapie oviec bol sledovaný v PD Turiec Dubové, farma Rudno v r. 2003 a 2004

Od 13.10.2003 do 21.10. 2004 bol v PD Turiec Dubové, farma Rudno diagnostikovaných a laboratórne potvrdených 30 prípadov scrapie oviec. Bol sledovaný klinický priebeh ochorenia u dvoch oviec, podrobne boli popísané klinické príznaky. Scrapie bola laboratórne potvrdená v ŠVÚ Zvolen, kde bol určený genotyp oviec pozitívnych na scrapie.

U oviec, ktoré ochoreli na scrapie sa najčastejšie vyskytoval genotyp ARQ/VRQ 12x /37,50%, ARQ/ARQ 12x /37,50%, VRQ/VRQ 2x /6,25%, ARQ/ARH 2x /6,25%, ARR/ARQ 2x /6,25%, ARH/VRQ 1x /3,13% a ARQ/ARH 1x /3,13%.

Bolo zistené, že až 87,50% /28 ks/ oviec postihnutých scrapie bolo vo veku do 30 mesiacov. Tieto zvieratá boli pri odstave v roku 2002 kŕmené kŕmnom zmesou ČOJ s 10% prídavkom doplnkovej KZ Ascolac, ako náhrady sušeného mlieka /dovoz z Holandska/.

Celkom bolo vyšetrených 28 plemenných baranov, 41 jahniat, 163 jariet v ŠVPÚ Dolnom Kubíne, kde bolo vykonané kompletne stanovenie genotypu na troch alelách /136, 154, a 171/. Z vyšetrených plemenných baranov genotyp rizikovej skupiny R1 /ARR/ARR/ bol zistený u 3 ks /10,7%, rizikovej skupiny R2 /ARR/ARQ, ARR/ARH, ARR/AHQ/ u 19 ks /67,8%, rizikovej skupiny R3 /ARQ/AHQ, ARQ/ARQ, ARQ/ARH/ u 3 ks /10,7% a rizikových skupín R4 a R5 /ARR/VRQ, ARQ/VRQ/ u 3 ks /10,7%. Z vyšetrených jahniat a jariet bol zistený genotyp z rizikovej skupiny R1 u 42 ks /20,5%, z rizikovej skupiny R2 u 94 ks /46%, z rizikovej skupiny R3 u 41 ks /20% a z rizikových skupín R4, R5 u 27 ks /13,3%.

Scrapie na PD Turiec Dubové sa laboratórne potvrdila u 32 ks oviec /4,0% zo všetkých oviec/, v dvoch prípadoch boli popísané klinické príznaky. Ochorenie malo rýchly priebeh a netypické príznaky. V oboch pozorovaných prípadoch chýbal syndróm pruritu, spojený so sekundárnymi afekciami kože. Až 53,12% pozitívnych zvierat malo genotyp rizikových skupín R2 a R3.